



Resultado parcial da avaliação das propostas Edital Sequenciamento de Genoma

A Coordenação do Programa Inova Fiocruz informa que das 49 propostas homologadas neste edital, foram recomendados 35 projetos.

O processo de avaliação contou com uma comissão avaliadora composta pela equipe do Programa Inova e avaliadores convidados, a saber:

Genomas microbianos: Arnaldo Zaha (UFRGS) e Leila de Mendonça Lima (IOC/Fiocruz)

Genomas humanos: Adriana Bastos Carvalho (UFRJ), Eduardo Tarazona (UFMG), Helena Paula Brentani (USP), Maria Rita dos Santos e Passos-Bueno (USP) e Michel Naslavsky (USP)

Pelo Programa Inova, compuseram a comissão avaliadora Ana Paula Oliveira Brum, Claude Pirmez, Gabriel Antonio Rezende de Paula, Lilian Gomes Sampaio, Lilian Petroni, Marcel Guimarães, Marcia Teixeira, Marcio Rodrigues, Raquel Salviati, Renato Domingues e Sandra Topfer.

Os projetos contemplados nesta Chamada receberão em breve comunicação por e-mail com as orientações sobre as etapas futuras.

Para as propostas não recomendadas permanece a possibilidade de recurso do resultado, a ser submetido pelo sistema Inova por meio do link que foi enviado por e-mail. O prazo para submissão do recurso é 19 de agosto, até às 23h59.

Qualquer dúvida favor enviar e-mail para sequenciamento.inova@fiocruz.br.

Segue abaixo o resultado:



Eixo I. Sequenciamento de genomas humanos

Número de Inscrição	Título do projeto	Coordenador	Unidade da FioCruz	Eixo temático do projeto	Status
18290365454103	Genômica aliada a epidemiologia na investigação da causalidade das anomalias do sistema nervoso central e das fendas orais no estado do Rio de Janeiro	Fernando Regla Vargas	Instituto Oswaldo Cruz (IOC)	I. Sequenciamento de genomas humanos	Recomendado
182901556044913	Polimorfismos em genes humanos de citocinas e susceptibilidade a malária na região amazônica brasileira	Martha Cecilia Suárez Mutis	Instituto Oswaldo Cruz (IOC)	I. Sequenciamento de genomas humanos	Recomendado
182901354231499	Aplicação da Técnica do Sequenciamento do Genoma Completo num Serviço de Doenças Raras do Rio de Janeiro.	Sayonara Maria de Carvalho Gonzalez	Instituto Nacional de Saúde da Mulher, da Criança e do Adolescente Fernandes Figueira (IFF)	I. Sequenciamento de genomas humanos	Recomendado
182901205578549	Rede Nacional de Genômica dos Erros Inatos da Imunidade (RENOMIEII)	Zilton Farias Meira de Vasconcelos	Instituto Nacional de Saúde da Mulher, da Criança e do Adolescente Fernandes Figueira (IFF)	I. Sequenciamento de genomas humanos	Recomendado
182901985131144	Arranjo Imunogenômico Complexo Da Síndrome Congênita Do Zika Vírus Via Sequenciamento Genômico Total E Interpretação Por Inteligência Artificial.	Bartolomeu Acioli dos Santos	FioCruz Pernambuco - Instituto Aggeu Magalhães (IAM)	I. Sequenciamento de genomas humanos	Recomendado com ajuste
182902178822369	Investigação de variantes germinativas associadas à neoplasias em diferentes faixas etárias da população brasileira	Dalila Luciola Zanette	FioCruz Paraná - Instituto Carlos Chagas (ICC)	I. Sequenciamento de genomas humanos	Recomendado com ajuste
182901344058270	Sequenciamento, e resequenciamento por leituras longas, para o diagnóstico diferencial de condições neurológicas monogênicas e compreensão de bases mecanísticas associadas à diversidade genética brasileira	Fabio Miyajima	FioCruz Ceará	I. Sequenciamento de genomas humanos	Recomendado com ajuste
182902177844436	Sequenciamento e análise do genoma humano completo para o aprimoramento da atenção aos pacientes do SUS com doenças de causa genética e contribuição ao conhecimento da diversidade genética populacional brasileira	Fabio Passetti	FioCruz Paraná - Instituto Carlos Chagas (ICC)	I. Sequenciamento de genomas humanos	Recomendado com ajuste



Número de Inscrição	Título do projeto	Coordenador	Unidade da FioCruz	Eixo temático do projeto	Status
1829012834778370	Medicina personalizada para a doença de Chagas: Sequenciamento de nova geração como ferramenta para estudo de progressão da cardiopatia Chagásica crônica	Maria da Gloria Bonecini de Almeida	Instituto Nacional de Infectologia (INI)	I. Sequenciamento de genomas humanos	Recomendado com ajuste
182900462614374	COVID19 e Tuberculose em indígenas da etnia Pataxó: decifrando variações genéticas por análise transcriptômica de RNA	Maria Helena Féres Saad	Instituto Oswaldo Cruz (IOC)	I. Sequenciamento de genomas humanos	Recomendado com ajuste
182901994558902	Caracterização do genoma germinativo de pacientes oncológicos brasileiros para identificação de variantes importantes no surgimento, prognóstico e resposta terapêutica.	Mateus Nóbrega Aoki	FioCruz Paraná - Instituto Carlos Chagas (ICC)	I. Sequenciamento de genomas humanos	Recomendado com ajuste
182901555795875	Caracterização do genoma de pacientes com fissuras labiopalatais não síndrômicas de famílias multiplex e casos indeterminados de fibrose cística	Bruno Dallagiovanna Muniz	FioCruz Paraná - Instituto Carlos Chagas (ICC)	I. Sequenciamento de genomas humanos	Não recomendado
182902178997569	Correlação entre os fenótipos clínicos do transtorno do espectro autista e variantes genéticas	Bruno Solano de Freitas Souza	FioCruz Bahia - Instituto Gonçalo Moniz (IGM)	I. Sequenciamento de genomas humanos	Não recomendado
182902174317124	Identificação de fatores genéticos associados ao hepatocarcinoma (CHC)	Luydson Richardson Silva Vasconcelos	FioCruz Pernambuco - Instituto Aggeu Magalhães (IAM)	I. Sequenciamento de genomas humanos	Não recomendado
182901993327100	Uso da genômica no diagnóstico molecular de doenças crônicas e degenerativas e seu impacto na aplicação da medicina de precisão e no aprimoramento do SUS	Mário Campos Junior	Instituto Oswaldo Cruz (IOC)	I. Sequenciamento de genomas humanos	Não recomendado
182901187247433	Variantes genéticas associadas às doenças raras e doenças crônico-degenerativas de caráter autoimunes e inflamatórias na população nordestina	Norma Lucena Cavalcanti Licinio da Silva	FioCruz Pernambuco - Instituto Aggeu Magalhães (IAM)	I. Sequenciamento de genomas humanos	Não recomendado
182903123713804	Perfil molecular do câncer de mama de início precoce no Brasil: impacto no diagnóstico e prognóstico	Tatiana Martins Tilli	Centro de Desenvolvimento Tecnológico em Saúde (CDTS)	I. Sequenciamento de genomas humanos	Não recomendado



Eixo II. Abordagens combinadas de sequenciamento de agentes infecciosos (bactérias/fungos/vírus e protozoários) e seus hospedeiros humanos

Número de Inscrição	Título do projeto	Coordenador	Unidade da Fiocruz	Eixo temático do projeto	Status
182902179279330	Mapeamento temporal da diversidade genômica viral em indivíduos conhecidamente infectados pelo vírus Zika	Rafael Freitas de Oliveira Franca	Fiocruz São Paulo	II. Abordagens combinadas de sequenciamento de agentes infecciosos (bactérias/fungos/vírus e protozoários) e seus hospedeiros humanos	Recomendado
182901124906402	Filárias na Amazônia	Sérgio Luiz Bessa Luz	Fiocruz Amazonas - Instituto de Pesquisas Leônidas e Maria Deane (ILMD)	II. Abordagens combinadas de sequenciamento de agentes infecciosos (bactérias/fungos/vírus e protozoários) e seus hospedeiros humanos	Recomendado
182901822217566	Estudo do viroma de roedores com diagnóstico positivo para hantavirose no estado do Paraná	Tiago Gräf	Fiocruz Paraná - Instituto Carlos Chagas (ICC)	II. Abordagens combinadas de sequenciamento de agentes infecciosos (bactérias/fungos/vírus e protozoários) e seus hospedeiros humanos	Recomendado
18290464774193	Caracterização genômica de patógenos-hospedeiros entre pacientes coinfectados com Leishmania e HIV em Pernambuco	Zulma Maria de Medeiros	Fiocruz Pernambuco - Instituto Aggeu Magalhães (IAM)	II. Abordagens combinadas de sequenciamento de agentes infecciosos (bactérias/fungos/vírus e protozoários) e seus hospedeiros humanos	Recomendado
182900464085331	Caracterização fenotípica e genotípica de estirpes de Mycobacterium tuberculosis monorresistentes a isoniazida identificadas no município do Rio de Janeiro.	Valéria Cavalcanti Rolla	Instituto Nacional de Infectologia (INI)	II. Abordagens combinadas de sequenciamento de agentes infecciosos (bactérias/fungos/vírus e protozoários) e seus hospedeiros humanos	Recomendado com ajuste
1829013344692630	Sequenciar para preservar: mapeando o impacto dos incêndios na biodiversidade do Pantanal	Alberto Martín Rivera Dávila	Instituto Oswaldo Cruz (IOC)	II. Abordagens combinadas de sequenciamento de agentes infecciosos (bactérias/fungos/vírus e protozoários) e seus hospedeiros humanos	Não recomendado



Número de Inscrição	Título do projeto	Coordenador	Unidade da FioCruz	Eixo temático do projeto	Status
182902242214396	Saúde Pública de Precisão no estudo do câncer cervical: Mapeamento das lesões cervicais causadas pelo HPV por sequenciamento genômico completo	Ana Teresa Gomes Fernandes	Instituto Nacional de Infectologia (INI)	II. Abordagens combinadas de sequenciamento de agentes infecciosos (bactérias/fungos/vírus e protozoários) e seus hospedeiros humanos	Não recomendado
1829015553585580	Perfil polimórfico de genes e proteínas do sistema complemento em indivíduos provenientes de áreas endêmicas de leishmaniose tegumentar e sua importância no processo de infecção	Fabiano Borges Figueiredo	FioCruz Paraná - Instituto Carlos Chagas (ICC)	II. Abordagens combinadas de sequenciamento de agentes infecciosos (bactérias/fungos/vírus e protozoários) e seus hospedeiros humanos	Não recomendado
182901903441782	Imunodeficiência Comum Variável e infecções crônicas virais: Um Estudo de Caracterização Clínica, Genética e Viroológica	Tulio Machado Fumian	Instituto Oswaldo Cruz (IOC)	II. Abordagens combinadas de sequenciamento de agentes infecciosos (bactérias/fungos/vírus e protozoários) e seus hospedeiros humanos	Não recomendado
182901555793249	Viroma e microbioma na cavidade oral e soro de pacientes infectados com oncovírus: uma abordagem metagenômica.	Vanessa Salette de Paula	Instituto Oswaldo Cruz (IOC)	II. Abordagens combinadas de sequenciamento de agentes infecciosos (bactérias/fungos/vírus e protozoários) e seus hospedeiros humanos	Não recomendado



Eixo III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados

Número de Inscrição	Título do projeto	Coordenador	Unidade da FioCruz	Eixo temático do projeto	Status
18290462670142	Epidemiologia genômica, resistoma e viruloma de bactérias do grupo ESKAPE multiresistentes	Ana Carolina Paulo Vicente	Instituto Oswaldo Cruz (IOC)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » a. Bactérias	Recomendado
182901555938151	Metagenômica e sequenciamento genômico de bactérias cultiváveis da microbiota intestinal de <i>Lutzomyia longipalpis</i> , potenciais candidatos para uma abordagem paratransgênica para o controle da transmissão da leishmaniose visceral.	Antonio Jorge Tempone	Instituto Oswaldo Cruz (IOC)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » a. Bactérias	Recomendado
182902177208363	Sequenciamento genômico de bactérias resistentes aos antimicrobianos oriundas de IRAS em hospitais do Nordeste	Danilo Elias Xavier	FioCruz Pernambuco - Instituto Aggeu Magalhães (IAM)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » a. Bactérias	Recomendado
182901341857524	Fatores Associados à Infecção versus Colonização por <i>Klebsiella pneumoniae</i> Resistente a Carbapenemas: Pesquisa Clínica e dos Genomas Bacterianos	Marisa Zenaide Ribeiro Gomes	Instituto Oswaldo Cruz (IOC)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » a. Bactérias	Recomendado
182902175141954	Análise comparativa do genoma, viruloma e resistoma de amostras de <i>Streptococcus agalactiae</i> oriundas de gestantes e neonatos de Porto Velho-Rondônia	Najla Benevides Matos	FioCruz Rondônia	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » a. Bactérias	Recomendado
182901183796431	Sequenciamento genômico de <i>Giardia duodenalis</i> de humanos e animais silvestres do Amazonas, Brasil	Ormezinda Celeste Cristo Fernandes	FioCruz Amazonas - Instituto de Pesquisas Leônidas e Maria Deane (ILMD)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » d. Protozoários	Recomendado
1829001359524370	Estudo Genômico das Espécies Patogênicas do Gênero <i>Mycobacterium</i>	Philip Noel Suffys	Instituto Oswaldo Cruz (IOC)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » a. Bactérias	Recomendado
182900465236878	Líquens como marcadores de saúde ambiental, e fonte de metabólitos relevantes para o desenvolvimento de fármacos.	Wim Maurits Sylvain Degrave	Instituto Oswaldo Cruz (IOC)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » b. Fungos	Recomendado
1829015557871330	Genômica da Sífilis no Brasil no Cenário Global: Epidemiologia, Linhagens & Resistência Antimicrobiana	Alena Mayo Iñiguez	Instituto Oswaldo Cruz (IOC)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » a. Bactérias	Recomendado com ajuste



Número de Inscrição	Título do projeto	Coordenador	Unidade da Fiocruz	Eixo temático do projeto	Status
182900464183999	Criação de um Banco de Genomas no contexto de Saúde Única para as Coleções Microbiológicas do IOC/Fiocruz	Aurea Maria Lage de Moraes	Instituto Oswaldo Cruz (IOC)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » a. Bactérias	Recomendado com ajuste
182903123734938	Estratégia inovadora para a vigilância genômica dos vírus Dengue: da padronização de RT-qPCR para genotipagem rápida ao sequenciamento genômico	Fernanda de Bruycker Nogueira	Instituto Oswaldo Cruz (IOC)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » c. Vírus	Recomendado com ajuste
1829004633122260	Diversidade genômica de linhagens da CBP	Ivano Raffaele Victorio de Filippis Capasso	Instituto Nacional de Controle de Qualidade em Saúde (INCQS)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » a. Bactérias	Recomendado com ajuste
182901668950529	Identificação de estratégias de busca ativa de tuberculose e rastreamento de contatos para o controle da tuberculose nas prisões brasileiras.	Julio Henrique Rosa Croda	Fiocruz Mato Grosso do Sul	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » a. Bactérias	Recomendado com ajuste
182901554723789	Integração do sequenciamento genômico completo (WGS) de cepas do complexo Mycobacterium tuberculosis (MTBC) droga resistentes (TB-DR) do Nordeste do Brasil: avaliação de impacto no diagnóstico laboratorial e na saúde pública.	Lílian Maria Lapa Montenegro Pimentel	Fiocruz Pernambuco - Instituto Aggeu Magalhães (IAM)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » a. Bactérias	Recomendado com ajuste
182900463195273	Sequenciamento Genômica de Neisseria Meningitidis do Estado do Amazonas	Luciete Almeida Silva	Fiocruz Amazonas - Instituto de Pesquisas Leônidas e Maria Deane (ILMD)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » a. Bactérias	Recomendado com ajuste
182902554740297	Sequenciamento genômico de linhagens bacterianas e fúngicas isoladas de Indústrias Farmacêuticas: uma proposta para o fortalecimento do Complexo Econômico da Saúde no Brasil	Marcelo Luiz Lima Brandão	Instituto de Tecnologia em Imunobiológicos (Bio-Manguinhos)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » a. Bactérias	Recomendado com ajuste
182902357637245	Genomas completos de fungos patogênicos: chave para inovação em diagnóstico, terapêutica e manejo de micoses negligenciadas de relevância no Brasil	Rodrigo de Almeida Paes	Instituto Nacional de Infectologia (INI)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » b. Fungos	Recomendado com ajuste
182902183013929	LeGenD - Sequenciamento genômico de Leishmania para melhor compreender a fisiopatologia das leishmanioses e buscar novas estratégias de controle	Rubens Lima do Monte Neto	Fiocruz Minas Gerais - Instituto René Rachou (IRR)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » d. Protozoários	Recomendado com ajuste



Número de Inscrição	Título do projeto	Coordenador	Unidade da Fiocruz	Eixo temático do projeto	Status
182901898216644	Genomas e metagenomas da Antártica: detecção síncrona de patógenos, caracterização genômica de isolados bacterianos e fúngicos e bioprospecção	Thiago Estevam Parente Martins	Instituto Oswaldo Cruz (IOC)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » a. Bactérias	Recomendado com ajuste
182901357627966	Análise da variabilidade genética nas culturas virais produzidas pela coleção de vírus do Biobanco Covid-19 da Fiocruz	Manuela da Silva	Vice-Presidência de Pesquisa e Coleções Biológicas (VPPCB)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » c. Vírus	Não recomendado
182902177630880	Microbiota intestinal na doença de Alzheimer: impacto nas interações neuroimunes e no efeito do exercício físico	Rudimar Luiz Frozza	Instituto Oswaldo Cruz (IOC)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » a. Bactérias	Não recomendado
182900465122365	Bactérias ambientais como reservatórios de resistência a antimicrobianos no contexto da Saúde Única	Viviane Zahner	Instituto Oswaldo Cruz (IOC)	III. Sequenciamento de genomas de microrganismos isolados » a. Bactérias	Não recomendado